

# APRENDIZADO DE MÁQUINAS PARA FÍSICA

Aula IV

Testes de Hipóteses e  
*Goodness-of-fit*



# TESTE DE HIPÓTESES

- Queremos decidir a concordância entre os dados experimentais e um (ou mais) modelo(s)
  - $H_0$  **hipótese nula** é testada, e a que se espera verdadeira
  - $H_1$  **modelo alternativo** que complementa  $H_0$
- Se considerarmos  $H_0$  como o *background* ou fundo e  $H_1$  como o *sinal*, temos a matriz confusão:

|         |                      | realidade  |   |
|---------|----------------------|--|---|
|         |                      | Background ( $H_0$ )   | Sinal ( $H_1$ )   |
| decisão | Background ( $H_0$ ) | Verdadeiro -   | Falso - <span style="border: 1px solid red; padding: 2px;">erro tipo 2</span> |
|         | Sinal ( $H_1$ )      | Falso + <span style="border: 1px solid purple; padding: 2px;">erro tipo 1</span> | Verdadeiro +  |

Para quantificar o nível de concordância dos dados com nossas hipóteses definimos um **teste estatístico**  $t(\{x_i\})$  como uma **função escalar da amostra**  $\{x_i\}$ .  
A utilidade do teste depende do seu poder de discriminação entre as hipóteses.

# QUANTIFICANDO O TESTE

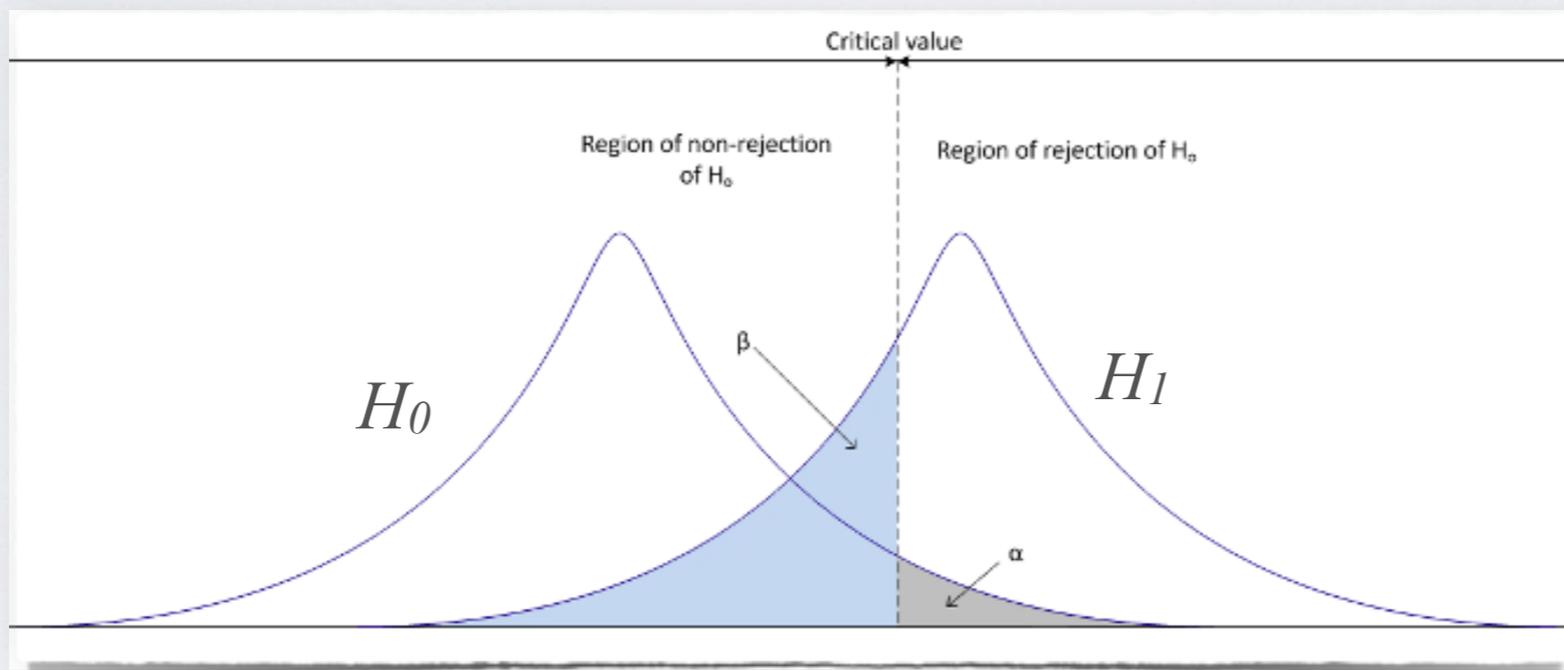
- Temos uma amostra de  $n$  medidas  $\{x_i\}$ . O teste estatístico é uma variável aleatória com PDFs  $g(t|H_0)$  e  $g(t|H_1)$ .

\* A probabilidade de rejeitar  $H_0$  sendo verdadeira  $\alpha = \int_{t_c}^{\infty} g(t|H_0)dt$

erro tipo 1:  
"descoberta"  
falsa

\* A probabilidade de aceitar  $H_0$  (e rejeitar  $H_1$ ) sendo falsa  $\beta = \int_{-\infty}^{t_c} g(t|H_1)dt$

erro tipo 2:  
"perder" a  
descoberta



$\alpha$  é a significância  
 $1-\beta$  é o poder

Para testar a hipótese nula escolhemos um valor para  $\alpha$  e a partir dele determinamos o valor crítico  $t_c$ . Logo avaliamos nos dados  $t_{obs}=t(\{x_i\})$ , e se  $t_{obs}<t_c$  aceitamos  $H_0$ , caso contrário rejeitamos ela.

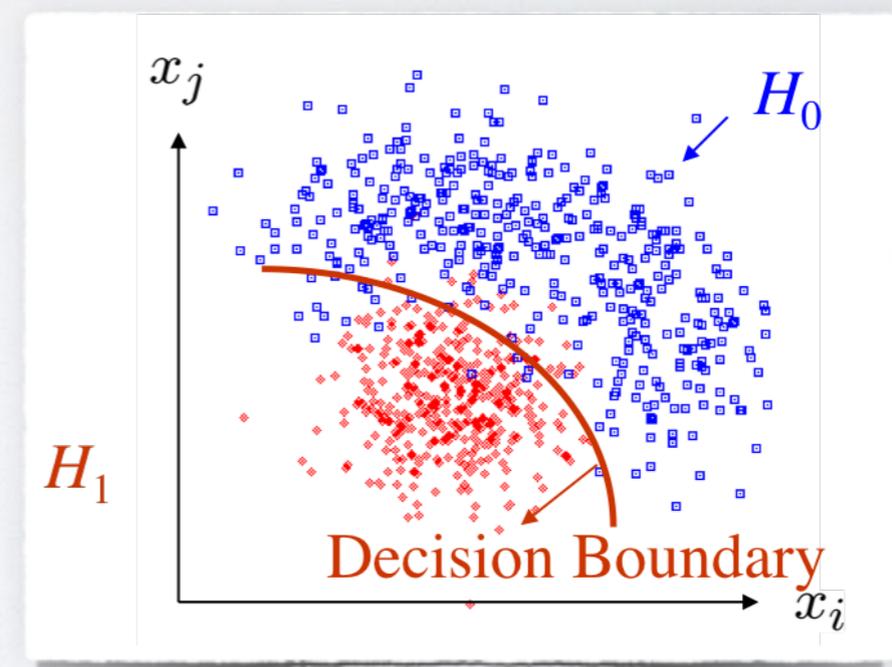
# NEYMAN-PEARSON

- Existem muitas (infinitas!) possibilidades de estatística de teste  $t$ .
- Likelihood ratio : a razão entre os valores de máxima verossimilhança para  $H_0$  e  $H_1$

$$t(\{x_i\}) = \frac{\mathcal{L}(H_1 | \{x_i\})}{\mathcal{L}(H_0 | \{x_i\})} \text{ ou equivalente } t(\vec{x}) = \frac{f(\vec{x} | H_1)}{f(\vec{x} | H_0)}$$

- O lemma de Neyman-Pearson diz que para um nível de significância  $\alpha$  fixo, o LR é o teste mais poderoso (menor  $\beta$ )

Após escolhermos um valor de  $\alpha$  e um teste estatístico, o valor crítico  $t_c = t(\vec{x})$  define uma “fronteira” de decisão (hyper-superfície no espaço  $\mathbb{R}^n$ ) que separa a região de aceitação e a de rejeição.



# PROCEDIMENTO I

Se conhecemos  $f(\vec{x} | H_0)$  and  $f(\vec{x} | H_1)$  analiticamente os passos a seguir são:

1. determinar a PDF da estatística de teste no caso da hipótese nula  $g(t | H_0)$
2. Definir um valor para  $\alpha$  levando em consideração as probabilidades de error tipo 1 e 2, e obter a região crítica e fronteira.
3. determinar o valor de  $t_{obs}=t(\{x_i\})$  para os dados
4. analisar se  $t_{obs}$  se encontra na região crítica (rejeitar  $H_0$ ) ou na região de aceitação (não tem suficiente evidência para rejeitar  $H_0$ )

# DEFINIÇÕES

Property of discriminator:

**Selection efficiency:** probability to correctly identify signal events  $\epsilon = 1 - \beta$

**Misidentification probability:** probability to misidentify as a background event  $\beta$

**Purity:** fraction of signal in a positively identified sample =  $N_{V+} / N_{TOT+}$

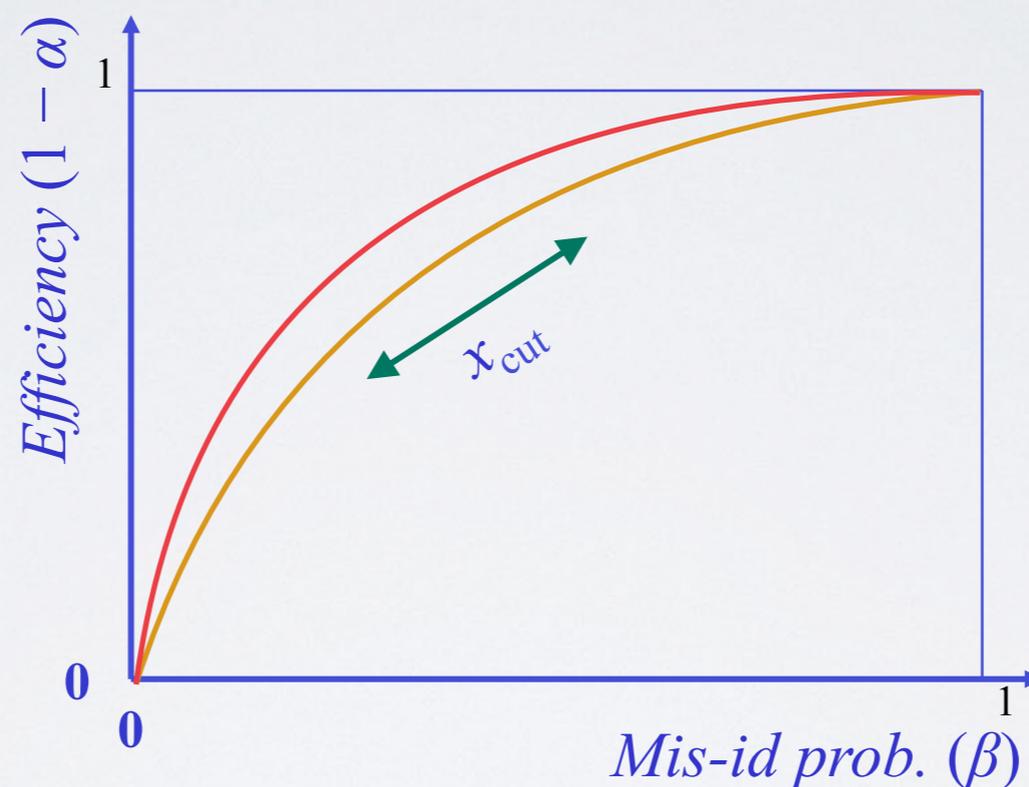
**Depends on the signal and background composition!** It is not a property of the discriminator only

**Fake rate:** fraction of background in a positively identified sample, =  $1 - \text{Purity} = N_{F+} / N_{TOT+}$

|                |                      | <i>realidade</i>                                |   |
|----------------|----------------------|---|---|
|                |                      | Background ( $H_0$ )                            | Sinal ( $H_1$ )   |
| <i>decisão</i> | Background ( $H_0$ ) | background rejection<br>$\epsilon = 1 - \alpha$ | $\beta$ (misID)   |
|                | Sinal ( $H_1$ )      | $\alpha$<br>$N_{V+}$                            | signal efficiency<br>$\epsilon = 1 - \beta$<br>$N_{T+}$ |

$$N_{TOT+} = N_{T+} + N_{V+}$$

# ANALISANDO A ESCOLHA DE $t$ E O VALOR DO CORTE



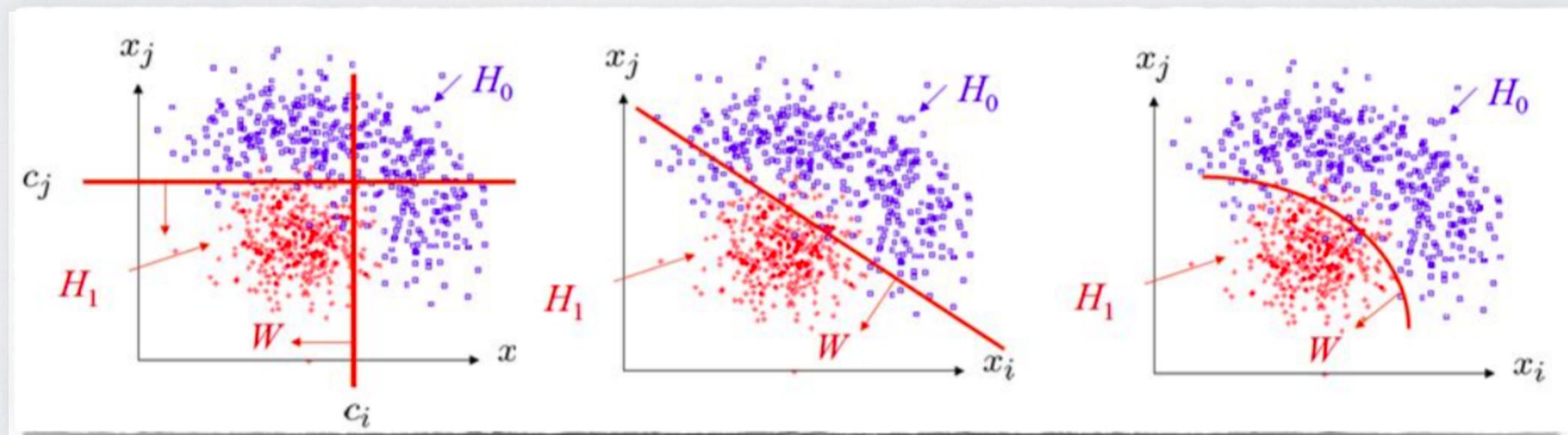
curvas ROC

Eficiência na identificação do background e taxa de falso negativo variam com a escolha do valor de “corte” (fronteira) no  $t$ . Um teste é melhor que outro para um mesmo valor de  $\alpha$  se o valor de  $\beta$  é menor.

# CONSTRUINDO $t$

Se não conhecemos as PDFs analiticamente, temos 2 opções:

- utilizar o método de Monte Carlo para gerar amostras e histogramas (em multiples dimensões) para  $H_0$  e  $H_1$ . (problema se temos muitas variáveis  $x_i$ )
- ou utilizar análise multi-variada para achar a fronteira (Fisher discriminant, BDT ou NN)

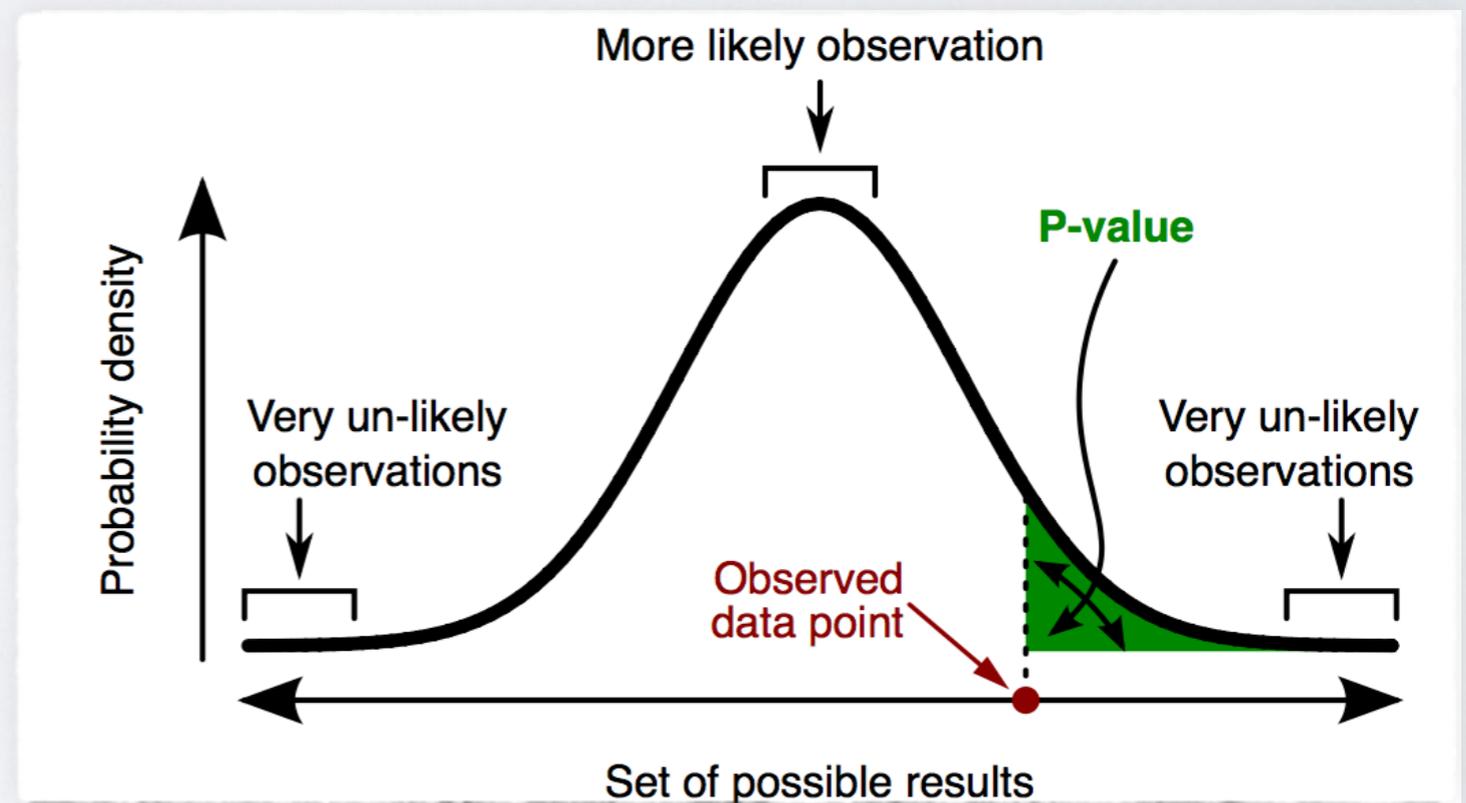


# GOODNESS-OF-FIT

Se queremos quantificar a concordância de um teste com uma hipótese  $H_0$  sem ter um modelo alternativo podemos avaliar o *goodness-of-fit*, quantificado pelo **p-value**: a probabilidade de se obter dados **tão ou mais** afastados da hipótese nula quanto os observados

$$p = \int_{t_{obs}}^{\infty} g(t | H_0) dt$$

- $t_{obs}$  depende dos dados
- quanto menor o valor de  $p$ , maior a evidência **contra**  $H_0$  (menor a chance de ser apenas flutuação)
- também chamado *nível de significância observado*





# TESTE DE HIPÓTESE VS GOF

- If one had defined a critical region, the significance level  $\alpha$  of the hypothesis test would correspond to the *P-value*
- In hypothesis test  $\alpha$  is a constant chosen a priori, before looking into data, while in GOF the observed *P-value* is a random variable
- In hypothesis test the critical value ( boundary )  $t_c$  is a function of the chosen  $\alpha$ , while in GOF it's the value of the test statistic evaluated on data  $t_{obs}$
- Although *P-value* are not confidence levels, sometimes one uses the notations  $CL_b = 1 - P_0$  and  $CL_{s+b} = P_1$  in analyses, where  $P_0$  and  $P_1$  are *P-values* for  $H_0$  (*background*) and  $H_1$  (*signal + background*) hypotheses

# SIGNIFICÂNCIA EM Z

- Frequentemente em vez de usar *p-value* alguns estudos utilizam o valor **z**: o número de desvios padrões que o ponto teria se uma distribuição normal padrão ( $\mu = 0$ ,  $\sigma = 1$ ) tiver a área equivalente na calda da direita

$$p = \sqrt{2\pi} \int_z^{\infty} e^{-x^2/2} = \frac{1}{2} \left[ 1 - \text{Erf} \left( \frac{z}{\sqrt{2}} \right) \right]$$

**p** vem dos dados e a pdf, então **z** é achado invertendo a relação (ou tabelado)

- Em geral (em FAE) dizemos que temos uma observação quando  $z \geq 3$  e uma evidência ou descobrimento se  $z \geq 5$

# EXEMPLO DIST. POISSON

- Probabilidade de uma observação de  $n = n_s + n_b$  eventos com média esperada  $\nu = \nu_s + \nu_b$

$$f(n | \nu_s, \nu_b) = \frac{(\nu_s + \nu_b)^n}{n!} e^{-(\nu_s + \nu_b)}$$

- Significância observada seria a probabilidade de se observar  $n \geq n_{obs}$  considerando a hipótese nula, quer dizer que seja só uma flutuação do background, sem sinal no modelo ( $\nu_s = 0$ )

$$P(n \geq n_{obs} | H_0 : \nu_s = 0) = \sum_{k=n_{obs}}^{\infty} P(k | H_0) = \sum_{k=n_{obs}}^{\infty} \frac{\nu_b^k}{k!} e^{-\nu_b} = 1 - \sum_{k=0}^{n_{obs}-1} \frac{\nu_b^k}{k!} e^{-\nu_b}$$

# TESTE DO $\chi^2$ DE PEARSON

- Se temos um histograma com  $N$  classes e  $n_i$  eventos por classe (bin) e no modelo esperamos ter  $\nu_i$  eventos, a estatística de teste  $\chi^2$  de Pearson quantifica a concordância dos dados ao modelo

$$\chi^2 = \sum_i^N \frac{(n_i - \nu_i)^2}{\nu_i}$$

- Se os dados em cada bin seguem uma distribuição de Poisson com média (e variância) =  $\nu_i$  e  $n_i > 5$ , este teste segue a distribuição  $\chi^2$  com  $N$  variáveis e podemos avaliar o **p-value**

$$p = P(z \geq \chi^2) = \int_{\chi^2}^{\infty} f(x|N) dx = 1 - \int_0^{\chi^2} f(x|N) dx$$

lembrando

$$f(x|N) = \frac{1}{2^{N/2} \Gamma(N/2)} x^{(N/2-1)} \exp(-x/2)$$

⇒ dado um valor de  $\chi^2$  observado nos dados para um determinado  $N$ , podemos achar (tabelado, p.ex.) o **p-value**.